

## 牦牛诱导型一氧化氮 合酶生物信息学分析

王 婧褚 敏 郝峰鸽崔东安

一、研究背景

二、iNOS全基因分析

三、iNOS编码蛋白质分析



# 一、研究背景



◆ 牦牛是高寒地区的特有牛种,草食性反刍家畜。牦牛是世界上生活在海拔最高处的哺乳动物。

◆ 主产于中国青藏高原海拔3000米以上地区。 海拔3000米以上地区。 适应高寒生态条件, 耐粗、耐劳,有"高 原之舟"之称。 NO是重要的血管因子, 具有调节血流和血管阻力的作用。

在低氧的诱导下,动物产生NO增加,活化含血红素的cGMP,使血管平滑肌和血小板中的cGMP水平增加,促进血管平滑肌松弛,维持组织毛细血管持久性扩张,减小外周阻力,加速血液循环,改善组织获氧能力。



- ◈神经型NOS(nNOS)
- ◈ 内皮型NOS (eNOS)
- ◈ 诱导型NOS (iNOS)

### 结构型NOS

构成型NOS(cNOS):

Ca<sup>2+</sup>依赖型,产生短时效、少量的NO

iNOS:

非Ca<sup>2+</sup>依赖型,存在于所有组织细胞,以 巨噬细胞和血管平滑肌细胞含量最多,病理状态下,产生持续时间长、高浓度的NO。

在低氧的条件下,可以被HIF-1诱导表达。



## 二、iNOS全基因分析

以大通牦牛为实验动物,通过反转录,克 隆测序得到一个3595bp的序列。

首先对该序列进行了BLAST,结果如下:

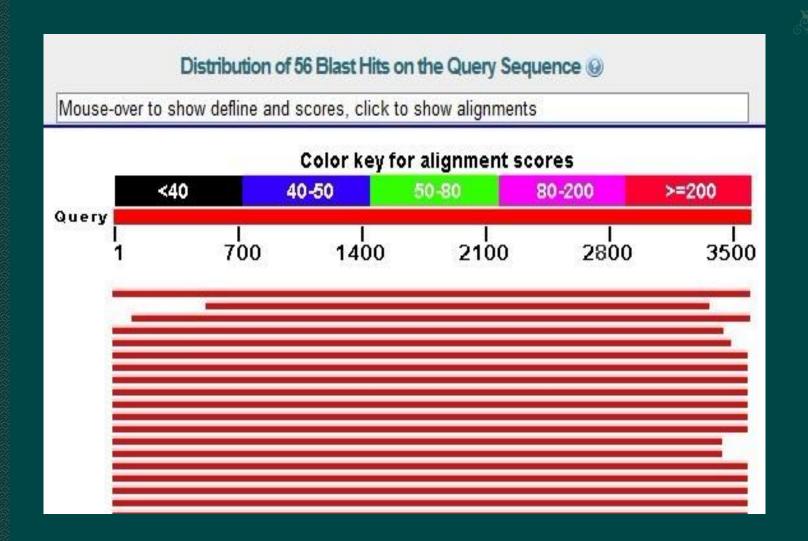


图1、全序列BLAST结果

```
gi|116003826|ref|NM 001076799.
                              ATGGCCTGTCCCTGGCAGTTTCTGTTCAAAATCAAATCCCAAAAGGTGGA 50
gi|301753109|ref|XM 002912338.
                              ATGGCCTGTCCCTGGCAGTTCCTGTTCAAGGCCAAATCCTACCGGTTCAA 50
gi|219521953|ref|NM 001143690.
                              ----ACGCGGGGG----GTTGATCATTGTTTAACTGGGTTGAAT 37
                                    gi|116003826|ref|NM 001076799.
                              CTTGGCTACGGAACTGGACATCAACAACAATGTGGGAAAATTCTACCAGC 100
gi|301753109|ref|XM 002912338.
                              gi|219521953|ref|NM 001143690.
                              CTGGGTGAAGAGCCCAGAGGGCTTTATCACTGT-----CTTCT 75
                              gi|116003826|ref|NM 001076799.
                              CCCCGTCCAGTCCAGTGACACAGGATGACCCCAAACGTCACAGCCCGGGC 150
gi|301753109|ref|XM 002912338.
                              CCCCCTCCAGTCTAGTGACACAGGATGACCCCAAGTGTCACAGCCTCGGC 150
gi|219521953|ref|NM 001143690.
                              CTCTAATTGTTCCAGTAACACAGGATGACCCCAAATGTCCCAGCCGCAGC 125
                              * * • . ** *** ********* *** *** . **
gi|116003826|ref|NM 001076799.
                              AAGCACGGGAATGAGTCTCCCCAGCCCCTCACGGGGACAGTAAAGACGTC 200
gi|301753109|ref|XM 002912338.
                              AAGCACCGGAATGAGTCCCCCCAGTCCCTCACGGGGACAGTAAAGACGTC 200
gi|219521953|ref|NM 001143690.
                              AGGCACCGGAATGAGTGCTCCCAGCCCCTGGCGGAGACAGCAAAGAAATC 175
                              gi|116003826|ref|NM 001076799.
                              TCCAGAATCCCTGAGCAAGCTGGACGCCCCCCGTCAGCCTGTCCACGGC 250
gi|301753109|ref|XM 002912338.
                              TCCAGAATCCCTGATCAAGCTGGATGCACCCCCATCGGCCTGCCCGGGGGC 250
                              TCCAGACTCCCTGGTCAAGCTAGATGTGCTCCCACCGGCCTGTCCACGGC 225
gi|219521953|ref|NM 001143690.
```

#### 图2、牦牛序列与猪,牛序列比对结果

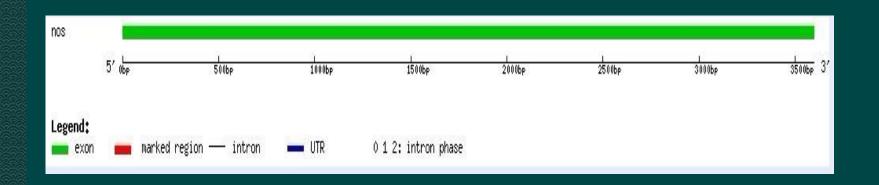


图3、对DNA序列基因结构分析结果

# 通过GENSCAN对该序列进行翻译预测,得到一个编码1156个氨基酸的蛋白质序列。

>/tmp/12\_24\_11-01:44:07.fasta|GENSCAN\_predicted\_peptide\_1|1156\_aa
MACPWQFLFKIKSQKVDLATELDINNNVGKFYQPPSSPVTQDDPKRHSPGKHGNESPQPL
TGTVKTSPESLSKLDAPPSACPRHVKIKNWGSGVTFQDTLHQKAKGDLSCKSKSCLASIM
NPKSLTIGPRDKPTPPDELLPQAIEFVNQYYGSFKEAKIEEHLARVEAVTKEIETTGTYQ
LTGDELIFATKQAWRNAPRCIGRIQWSNLQVFDARSCSTAQEMFEHICRHVRYATNNGNI
RSAITVFPQRSDGKHDFRVWNAQLIRYAGYQMPDGSIRGDPANAEFTQLCIDLGWKPKYG
RFDVLPLVLQADGRDPELFEIPPDLVLEVPMEHPRYEWFRELELKWYALPAVANMLLEVG

图4、通过GENSCAN预测蛋白质结果



## 三、iNOS编码蛋白质分析

# ◈ 首先对该蛋白质进行BLAST,物种为牛,结果如下:

	名称	全称	片段 长度	相似性	ID
1	Inducible NOS	诱导性一氧 化氮合成酶	1156	99%	Q27995
2	cNOS	三型一氧化 氮合成酶	1205	53%	P29473
3	P450R	细胞色素 450 还原酶	678	31%	Q3SYT8
4	Full=NADPH-dependent diflavin oxidoreductase 1	NADPH 依 赖性氧化还 原酶	577	32%	Q1JPJ0
5	MSR	甲硫氨酸合 酶还原酶	695	33%	Q4JIJ2

图5、牦牛iNOS蛋白质在牛中BLAST的结果

◆催化活性: L-精氨酸 + n NADPH + n H<sup>+</sup> + m O<sup>2</sup> = 瓜氨酸 + NO + n NADP<sup>+</sup>

◈序列属于NOS家族,包括一个FAD结合的 FR型结构域,和一个黄素氧还原蛋白结构 域。

cattle-NOS2-P	51 KHGNESPQPLTGTVKTSPESLSKLDAPPSACPRHVRIKNWGSGVTFQDTL	100
yak		100
cattle-NOS2-P	251 SDGKHDFRVWNAQLIRYAGYQMPDGSIRGDPANVEFTQLCIDLGWKPKYG	300
yak	251 SDGKHDFRVWNAQLIRYAGYQMPDGSIRGDPANAEFTQLCIDLGWKPKYG	300
cattle-NOS2-P	451 YRSRGGCPADWIWLVPPISGSITPVFHQEMLNYVLSPFYYYQVEPWKTHV	500
yak	451 YRSRGGCPADWIWLVPPISGSITPVFHQEMLNYVLSPFYYYQVEAWKTHV	500
cattle-NOS2-P	501 WQDERRRPQRREIRFKVLVKAVFFASVLMHKAMASRVRATILFATETGRS	550
yak	501 WQDERRRPQRRGIRFKVLVKAVFFASVLMHKAMASRVRATILFATETGRS	550
cattle-NOS2-P	601 NGEKLKKSLLMLKELTNTFRYAVFGLGSSMYPQFCAFAHDIDQKLSQLGA	650
yak	601 NGEKLKKSLLTLKELTNTFRYAVFGLGSSMYPQFCAFAHDIDQKLSQLGA	650

#### 图6、普通牛和牦牛iNOS序列比对

◈ 539—677位为黄素氧化还原蛋白结合位点。

512	E→G	712	V→M	1153	A→T
611	M→T	1086	R→H		

表1、与普通牛相比突变位点

#### ◈实用MEME对该蛋白质进行保守结构域进行 分析:

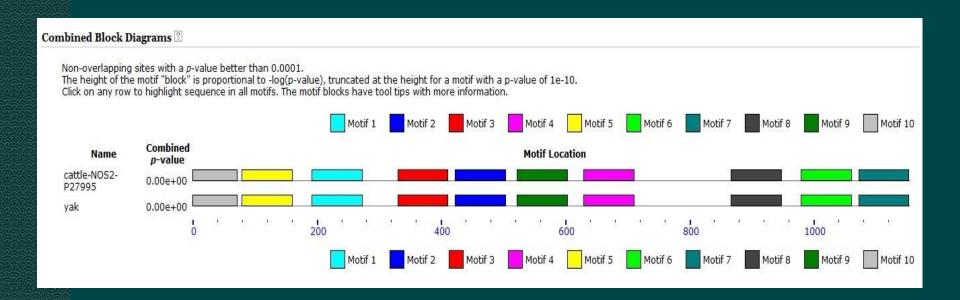


图7、用MEME对牦牛iNOS蛋白进行分析

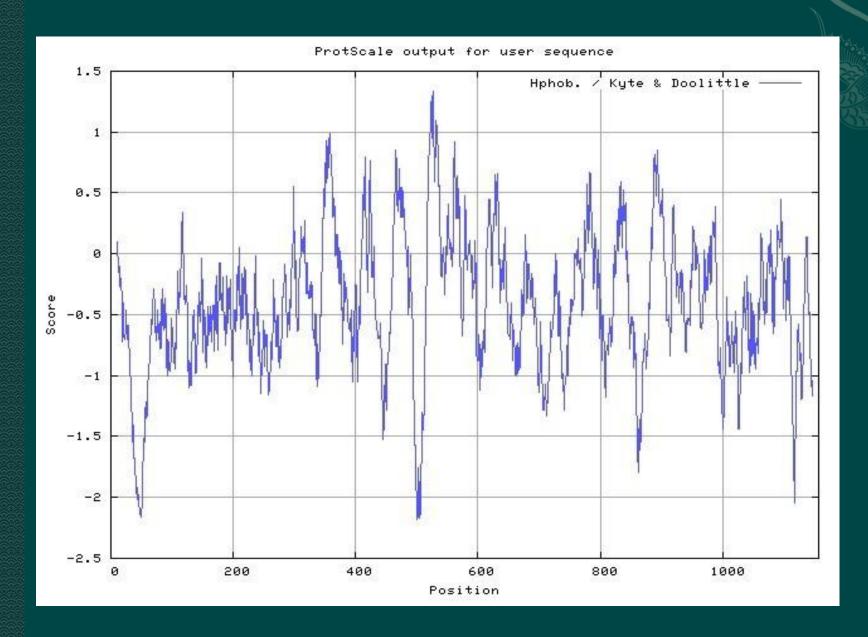


图8、对牦牛iNOS蛋白进行疏水性分析结果

yak	Template	Sequence identity
83-503	3e7gB	95.01%
513-699	3hr4	84.49%
534-1138	1tll	49.84%
cattle	Template	Sequence identity
83-503	3e7gB	95.01%
511-699	3hr4	85.19%
534-1139	1tll	49.92%

表2、牦牛和普通牛iNOS蛋白三级结构预测模板





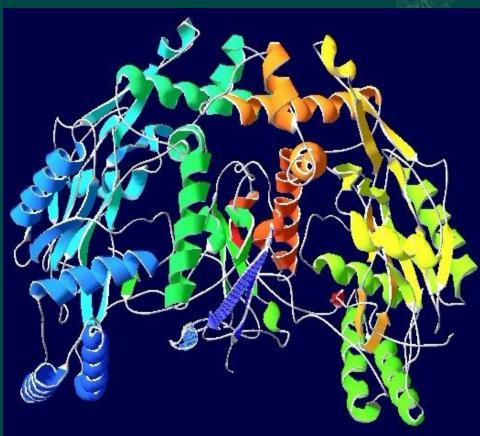


图9、牦牛iNOS蛋白高级结构预测结果

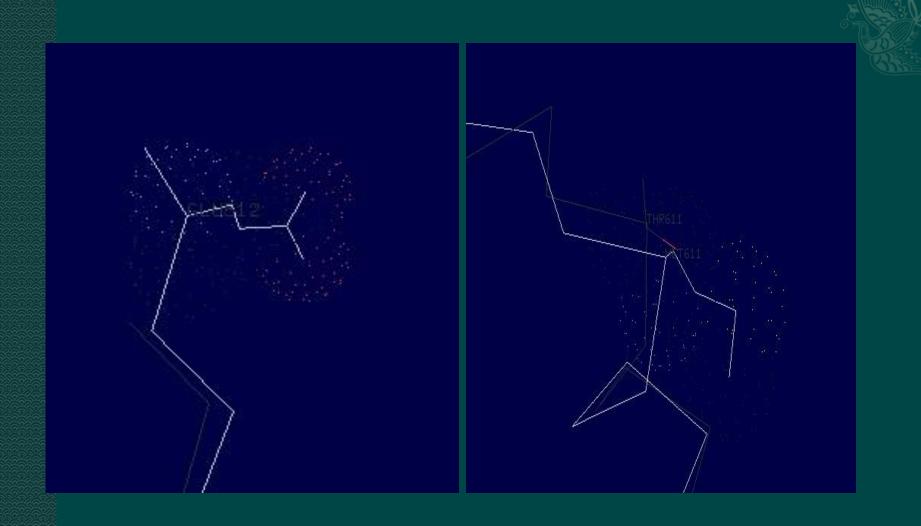


图10、牦牛和普通牛iNOS蛋白512位和611位结构比对

◈以蛋白质BLAST结果,找出并下载相似性较高的序列进行序列比对,并建立进化树。结果如下:

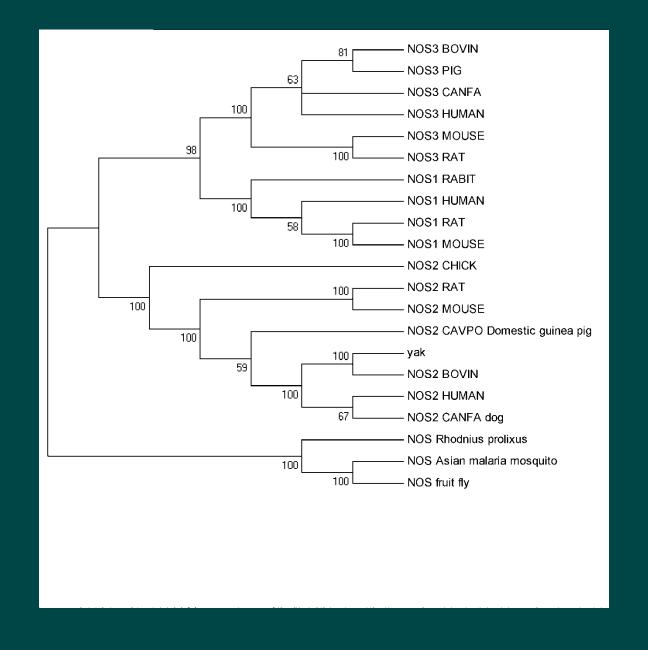


图11、牦牛iNOS蛋白进化树分析

#### 小结:

◈通过对牦牛iNOS蛋白的分析表明,该蛋白质与普通牛的蛋白质序列相似性较高,但在黄素氧化还原蛋白结合位点有2个氨基酸突变,但这是否是使牦牛iNOS蛋白增加NO的产量的原因尚需实验证实。

### 参考文献:

- [1] Monge C, Leon-Velarde F. Physiological adaptation to high altitude: oxygen transport in mammals and birds. Physiol Rev , 1991, 71(4): 1135 1172.
- [2] Weber RE, Jessen TH, Malte H, Tame J. Mutant hemo-globins (alpha 119-Ala and beta 55-Ser): functions related to high-altitude respiration in geese. J Appl Physiol , 1993, 75(6): 2646 2655.
- [3] Lutfullah G, Ali SA, Abbasi AA. Molecular mechanism of high altitude respiration: primary structure of a minor hemo-globin component from Tufted duck (Aythya fuligula, An-seriformes). Biochem Bioph Res Co, 2005, 326(1): 123 130.
- [4] Gou X, Li N, Lian L, Yan D, Zhang H, Wei Z, Wu C. Hy-poxic adaptation of hemoglobin in Tibetan chick embryo: High oxygenaffinity mutation and selective expression. Comp Biochem Physiol B, 2007, 147(2): 147–155.
- [5] 张浩, 吴常信, 强巴央宗, 凌遥, 罗章. 藏鸡高海拔适应与肺组织NOS活力研究. 中国农业大学学报, 2006, 11(1): 35 38.

